

**CODIGO :** 170535  
**NOMBRE PACIENTE :** MARIA ANTONIA RAMOS ROZO **SEXO :** FEMENINO  
**FECHA DE NACIMIENTO :** 13/08/2025 **REGISTRO CIVIL :** 1,010,851,956  
**NOMBRE RESPONSABLE :** PAULA ANDREA ROZO OROZCO  
**DOC.IDENTIDAD DE LA MADRE :** 1,026,288,352  
**FECHA TOMA DE MUESTRA :** 03/10/2025  
**FECHA DE IMPRESION :** 21/10/2025



## TAMIZAJE NEONATAL

### ANALISIS MUESTRA DE SANGRE

	RESULTADO	VALORES DE REFERENCIA	INTERPRETACION
Hipotiroidismo congénito	3.20	VN: < 10 uUI/ml	Normal
Deficiencia de G6PDH	3.70	VN : > 2.6 U/gHb	Normal
<i>TÉCNICA: Fluoroimmunoensayo (Delfia).</i>			<i>Procesado en Colombia por PREGEN.</i>
Hemoglobinopatías	AF	Ausencia de hemoglobinas anormales	Normal
<i>TÉCNICA: Cromatografía Líquida de Alto Rendimiento (HPLC).</i>			<i>Procesado en Colombia por PREGEN.</i>

## TAMIZAJE AMPLIADO

### ESPECTROMETRIA DE MASAS EN TANDEM

Procesado en Archimedlife international medical laboratory. 1110 Vienna.

#### DESORDENES DE AMINOÁCIDOS

Citrulina, Metionina, Leucina, Isoleucina, Valina, Fenilalanina, Tirosina.

Ausencia de metabolitos anormales Normal

#### PERFIL DE ACILCARNITINAS

C16,C18,C18:1,C16OH,C18:1OH,C8,C10:1,C5,C5DC,C4,C14,C14:1,C50H,C3,C5:1

Ausencia de metabolitos anormales Normal

#### RESULTADOS NORMALES

Recuerde que estas son pruebas de tamizaje que solo indican la probabilidad de que el recién nacido tenga una de las enfermedades estudiadas por el programa y pueden requerir pruebas adicionales para la confirmación de algún diagnóstico. La sensibilidad de estas pruebas se reduce a medida que aumenta la edad del paciente, por esto es conveniente realizarlas dentro del primer mes de nacido.

**REVISADO :** EDUVILIA JOHANA GOMEZ **FECHA :** 21/10/2025  
 Bacteriologa  
 Reg. 40.936.003

Dr. MARIA JOSE PINZON GARCIA  
RED COLOMBIANA DE MEDICINA GENETICA SAS - PREGEN  
BOGOTA  
CARRERA 15 A # 106 - 42  
11001 BOGOTA  
Colombia

Date of Report 16.10.2025  
Sample Received 10.10.2025  
Date of Sampling 03.10.2025  
LAB-ID 252039154

## Medical Report

Patient name	<b>RAMOS ROZO MARIA ANTONIA</b>	DBS-ID	A0320443
Date of Birth	<b>13.08.2025</b>	Gender	F

**Indication:** Newborn Screening

**Method(s):** Immunoassay, Tandem mass spectrometry from Dried Blood Spot

**Results:**

Parameter	Value	Unit	Reference
Birth weight (g)	2600	g	-
17-hydroxyprogesterone (17OHP)	<5.0	nmol/L	< 90.0
Thyroid-stimulating hormone (TSH)	1.7	μU/mL	< 15.0
Biotinidase	255.3	U	> 51.0
Galactose-1-P-uridyltransferase (GALT)	5.4	U/g Hb	> 2.5
Immunoreactive trypsinogen (IRT)	15.9	ng/mL	< 65.0
Phenylalanine	30.6	μmol/L	< 150.0
Amino acid profile	negative		-
Acylcarnitine profile	negative		-

**Interpretation:** NEGATIVE RESULT

Please note: Inconspicuous negative biochemical results cannot exclude any inborn error of metabolism or endocrine disorder with certainty in newborns. We recommend any follow-up or genetic testing if any clinical symptoms are present.

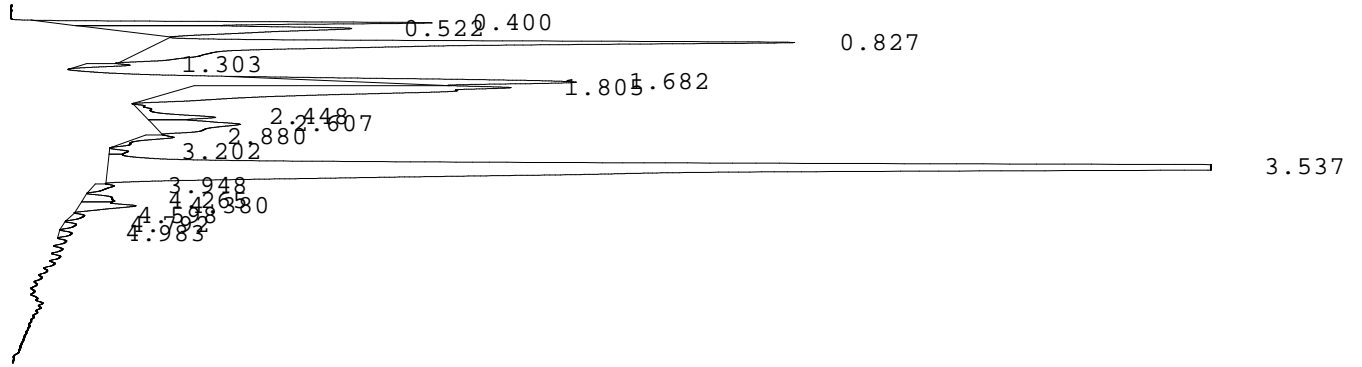
**Authorized By:** Assoc.-Prof. Dr. Andrea-Romana KASPER, MD, PhD  
[Specialist for Pediatrics, Neonatology and Nutrition]

Report was electronically signed and approved.

LABORATORIO PREGEN  
 Carrera 15a No 106-42  
 BOGOTA

Batch 1942, Rack A, Plate 1, Well A03, 170535-P  
 [8C355C9EE2C30EEA] Oct 09, 2025 11:59:56 Pressure = 68 bar (66 to 68)

AF



PEAK	RT	REL RT	% CONC	AREA	COMMENT
1	0.400	F 0.23	4.2%	86025	
2	0.522	F 0.29	5.5%	114646	
3	0.827	F 0.47	14.8%	305369	
4	1.303	F 0.74	0.5%	10693	
5	1.682	F 0.95	3.9%	80995	Consistent with F 6
6	1.805	F 1.02	10.8%	222230	Consistent with F
7	2.448	F 1.38	1.4%	29242	
8	2.607	F 1.47	2.6%	54677	
9	2.880	A 0.81	0.7%	13549	
10	3.202	A 0.90	0.3%	5495	
11	3.537	A 1.00	52.4%	1082536	A peak - REVIEW
12	3.948	A 1.11	0.4%	8618	
13	4.265	A 1.20	0.7%	13842	
14	4.380	S 0.86	1.2%	24674	3
15	4.598	S 0.91	0.2%	4842	
16	4.792	S 0.95	0.2%	4701	
17	4.983	S 0.98	0.2%	4497	

Total Area: 2066631

- Codes:
- 1) Wide A peak
  - 2) Area of A peak < 80%
  - 3) Peak area greater than expected
  - 4) Peak after A2
  - 5) Alc > 10%
  - 6) HbF or variant present
  - 7) Total sample area too small/big
  - 8) A2 is not within normal range